دراسات وراثية لبعض سلالات الباسيلس المنتجة لانزيم السليوليز

إعداد الطالب ثامر صالح السيود اشرا**ف**

أ. د. صلاح الدين محمد أبو عبا

ا.د. محمد حامد زینی

المستخلص

السليلوز هو اكبر كتلة حيوية على الأرض وأكبر المواد في المحيط الحيوي، التحول البيولوجي للكتلة الحيوية السليوليز بواسطة أنزيم السليوليز أصبح من اهم الاهتمامات الاقتصادية. حيث استقطب اهتمام العديد من العلماء والباحثين في جميع أنحاء العالم كمورد متجدد يمكن تحويله إلى منتجات حيوية وطاقة حيوية، حيث ينظر البه والباحثين في جميع أنحاء العالم كمورد متجدد يمكن تحويله إلى منتجات حيوية وطاقة حيوية، حيث ينظر البه كمورد اساسى للتحول الحيوى لتحلل الكتلة الحيوية للسليلوز . يتحلل السليلوز عادة بواسطة إنزيم يسمى السليوليز . يتم إنتاج هذا الإنزيم بواسطة العديد من الكانات الحية الدقيقة ، عادة تكون البكتيريا و الفطريات. انزيم السليوليز . يتم إنتاج هذا الإنزيم بواسطة العديد من الكاننات الحية الدقيقة خلال نمو ها في البينات السليلوزية. الكانات الحية الدقيقة عادة تكون البكتيريا و الفطريات. انزيم السيلوليز . والمركبات النشطة حيويا التي تنتجها الكاننات الحية الدقيقة خلال نمو ها في البينات السليلوزية. الكاننات الحية الدقيقة ما مان مركبات السليلوزية الكاننات الحية الدقيقة خلال نمو ها في البينات السليلوزية. الكاننات الحية الدقيقة خلال نمو ها في البينات السليلوزية. الكاننات الحية والإنزيمي . وبالتالي ، فإن استخدام السليلوز إلى سكريات قابلة للذويان إما عن طريق التحلي التحضي المحضي والإنزيمي . وبالتالي ، فإن استخدام السليلوز الميكروبي عن طريق الميكروبات يعتبر من اهم الدر اسات في هذا المجال الحيوى الهام. على الرغم من الاستخدام الهائل في جميع أنحاء العالم لمصادر السليلوز الطبيعية ، لا تز ال همجال الحيوى الهام. على الرغم من الاستخدام الهائل في جميع أنحاء العالم لمصادر السليلوز الطبيعية ، لا تز ال همجال الحيوى الهام. على الرغم من الاستخدام الهائل في جميع أنحاء العالم لمصادر السليلوز الطبيعية ، لا تز ال هناك كميات وفيرة من مصادر السليلوز، السليوز الموجود فى المواد الحام ومنتجات النفيات التي لم يتم استخلالها أو التي لايمكن استخدام المثليوز المودة تعدية العديد من الكاننات الحية الدقيقة تنتج انزيم السليوليز . وليم ماين ي لايمكن استخدام المثلوز و الموولية والمو في مادة الكانيات الحية ومركبات النشطة بيولوجيًا تنتجها هذه الكانات الدقيقة عند النمو في مادة السليلوز، خاصمة البكتيريا والفطريات. أو التي لايمكن استفدامه بشكان أكثر كفاءة. لسلولون أموومين أن تحل

اختبار الكونجو ريد والتحليل الطيفي. كما تم إجراء البصمات الوراثية للسلالات معزولة بواسطة تحليل RAPD-.

Genetic Studies of some cellulase- producing bacillus strains

By

Thamer Saleh Assaywed

Supervised By

Prof. Mohamed Hamed Zainy

Prof. Salah El-Deen Abo-Aba

Abstract

Cellulose has attracted worldwide attention as a renewable resource that can be converted into bio- based products and bioenergy. Celluloses are observed as the most important renewable resource for bioconversion. It has been become the economic interest to develop an effective method to hydrolyze the cellulosic biomass. Cellulose is commonly degraded by an enzyme called cellulase. This enzyme is produced by several microorganisms, commonly by bacteria and fungi. Cellulose is commonly degraded by an enzyme called cellulase. This enzyme is produced by several microorganisms, commonly by bacteria and fungi. Cellulases are the inducible bioactive compounds produced by microorganisms during their growth on Cellulosic matters. Cellulose degrading microorganisms can convert cellulose into soluble sugars either by acid and enzymatic hydrolysis. Thus, microbial cellulose utilization is responsible for one of the largest material flows in the biosphere. Increasing knowledge of mode of action of Cellulase; they were used in enzymatic hydrolysis of cellulosic substances. Despite a worldwide and enormous utilization of natural cellulosic sources, there are still abundant quantities of cellulosic sources, cellulose containing raw materials and waste products that are not exploited or which could be used more efficiently. For many years, cellulose producing bacteria have been isolated, characterized for the production of more effective cellulases from variety of sources. In this study, we used some isolated Bacillus strains and Pseudomonas aeruginosa strain to assay its cellulase production using Congo-red test and spectrophotometric analysis. Genetic fingerprinting was also done of isolated strains by RAPD –PCR analysis.